



ДНК-тест «История моего рода»

Исследование аутосомной ДНК Иванова И.И.

8 800 100 24 29

www.lab-dnk.ru

Введение:

Исследование аутосомной ДНК может выявить генетическое сходство с представителями различных популяций людей, живущих в тех или иных регионах планеты.

Цель исследования:

Получение важной с точки зрения географии, этнической истории и генетики информации.

Задачи исследования:

Установить этно-популяционный состав

Методы исследования:

Выделение ДНК

ДНК-типирование (ПЦР в реальном времени)

Прямое секвенирование по Сэнгеру

Интерпретация геномных данных

Национальный состав

Северная Америка 0%

Мезоамерика 0%

Южная Америка 3%

Аргентина ★

Европа 52%

Северная Европа

Восточная Европа 21%

Наиболее близкие к вам этнические группы:

Россия (юг) ★

Украина ★

Молдавия ★★

Белоруссия ★

Румыния ★★ ★

Западная Европа 5%

Наиболее близкие к вам этнические группы:

Франция ★

Испания ★

Южная Европа 26%

Наиболее близкие к вам этнические группы:

Греция ★★

Албания ★★

Македония ★★

Сицилия ★

Африка 8%

Северная Африка 8%

Египет ★

Восточная Африка

Западная Африка

Южная Африка

Азия 37%

Северная Азия

Восточная Азия

Западная Азия 31%

Наиболее близкие к вам этнические группы:

Турция ★★ ★★

Сирия ★★ ★

Южная Азия 6%

Иран ★★



Ваша доминирующая национальность

Европеец 52%

Восточная Европа 21%

Наиболее близкие к вам этнические группы:

Россия (юг) ★

Украина ★

Молдавия ★★

Белоруссия ★

Румыния ★★ ★

Океания 0%

Микронезия

Меланезия

Полинезия

Австралия 0%

Временная линия поколений



Передняя Азия

Временная линия поколений позволяет предположить, в какие годы Вы имели хотя бы одного родственника, принадлежащего к определенной этнической группе. Данная информация поможет Вам создать генеалогическое дерево.

В геноме человека по локализации различают следующие виды ДНК-маркеров:

1. Маркеры половых хромосом (расположенные на X и Y хромосомах)
2. Маркеры митохондриальной ДНК
3. Ауtosомные маркеры

В этногеномике и популяционной генетике для оценки генетических структур различных популяций используются ауtosомные полиморфные ДНК-маркеры.

Ауtosомные маркеры – это генетические маркеры, расположенные на ауtosомах (парных хромосомах), одинаковых для мужчин и женщин.

В рамках исследования изучается значительное количество мутаций в ДНК.

Эти мутации имеют географические и этнические привязки и локализации. Они могут быть характерны для тех или иных народов и для определенных территорий. Мутации в отдельно взятом гене или группе генов могут быть выявлены для народа, микро и/или макрорегиона, в этом случае они являются этнически-значимыми.

В исследовании задействованы важнейшие ауtosомные, этнически-значимые маркеры, такие как: делеционный полиморфизм гена CCR5, инсерционно-делеционный полиморфизм гена ангиотензин-превращающего фермента ACE, полиморфизмы эндотелиальной синтазы окиси азота NOS3, полиморфизм ослабляющий работу рецептора меланоцитстимулирующего гормона MC1R и многие другие.

Результаты, полученные в ходе исследования интерпретируются согласно актуальным на настоящий момент научным данным, с использованием широкого круга источников.